

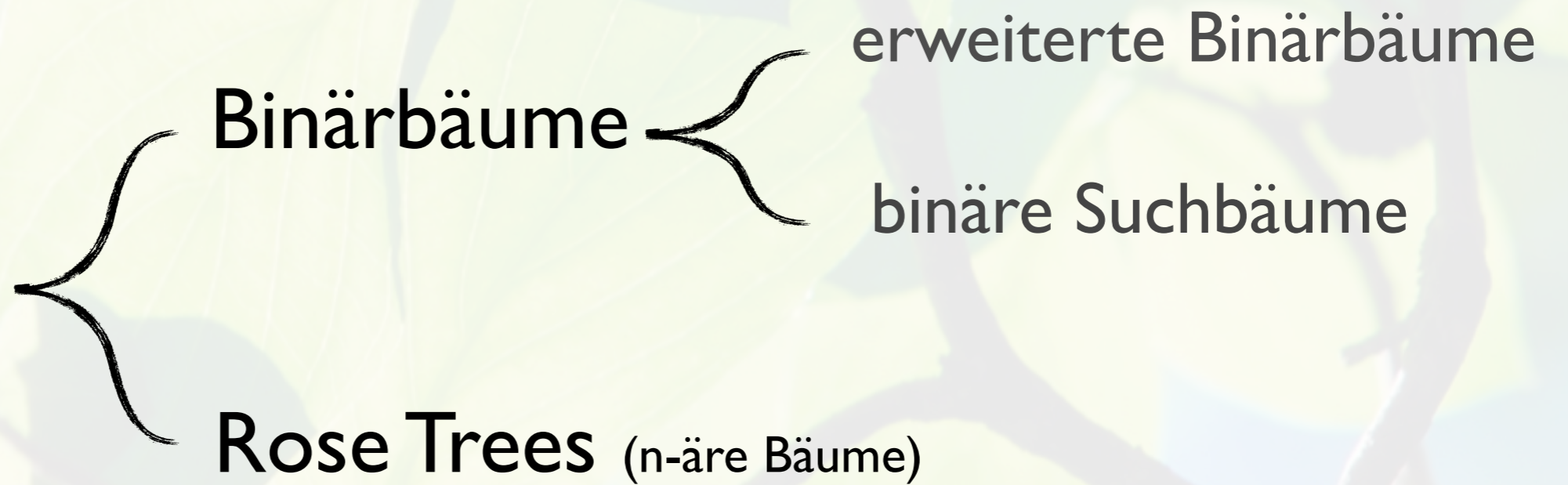
A close-up photograph of green leaves and dark branches against a bright blue sky. The leaves are vibrant green with visible veins, and the branches are dark and woody. The background is a clear, bright blue sky.

# bäume in Haskell

Alexander Meadowski & Patrick Schmidt

Bei: Prof. Dr. Schmidt, FH Wedel  
Freitag, 26. November 2010

**Bäume**



# Bäume

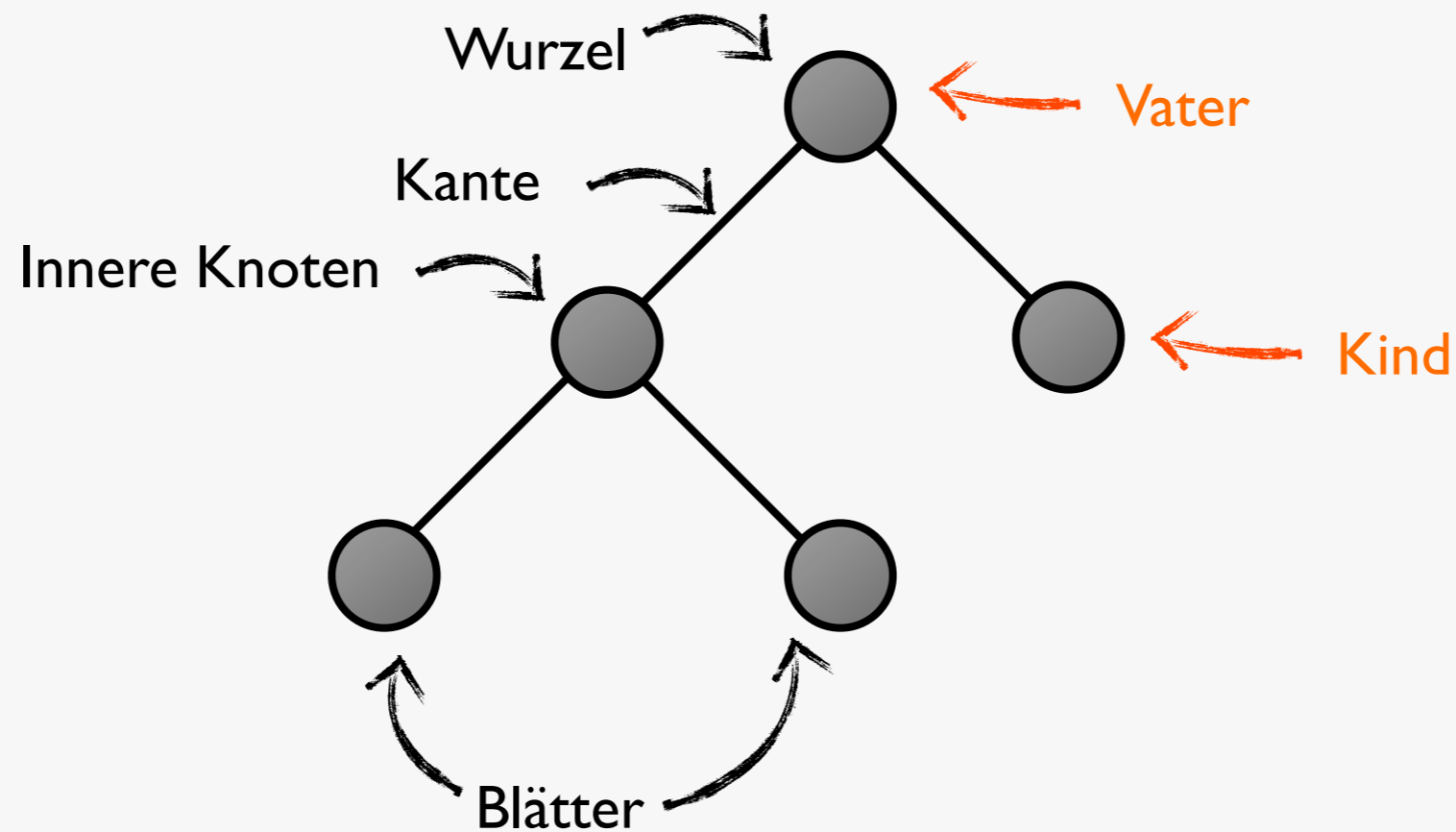
# Binärbäume

# erweiterte

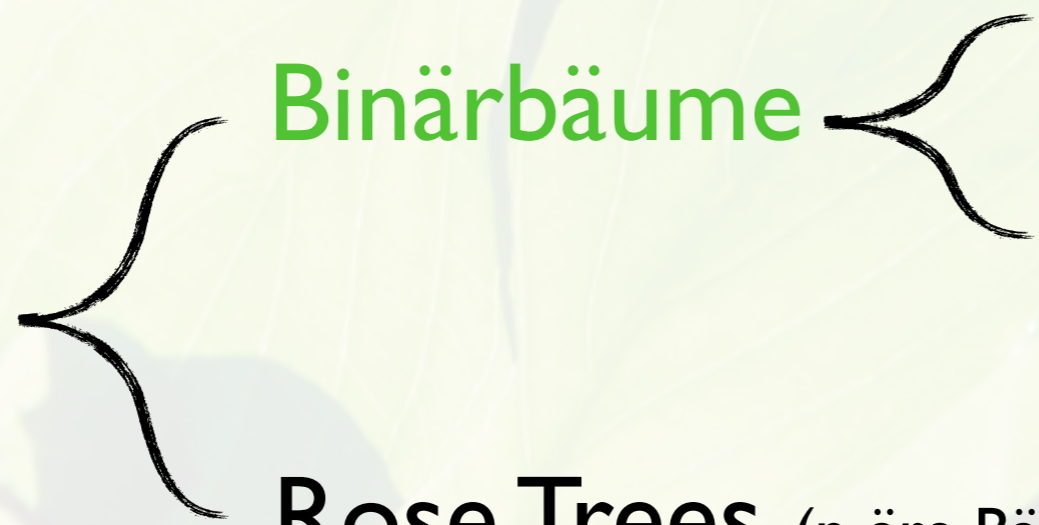
Bäume bestehen aus Knoten- und Kantenmenge

$G = (V, E)$  mit  $|V| = n$  Knoten und  $|E| = m$  Kanten

Hat folgende Eigenschaft:  $G$  ist azyklisch & es gilt  $m = n - 1$



**Bäume**



erweiterte Binärbäume

binäre Suchbäume

**Rose Trees** (n-äre Bäume)

# Binärbäume erweiterte Binärbäu

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

---

**Binärbaum** besteht aus einem **Blatt** oder aus einer **Verzweigung**, die wiederum zwei **Binärbäume** enthält.

---

```
data BTree a = Leaf a
             | Fork (BTree a) (BTree a)
```

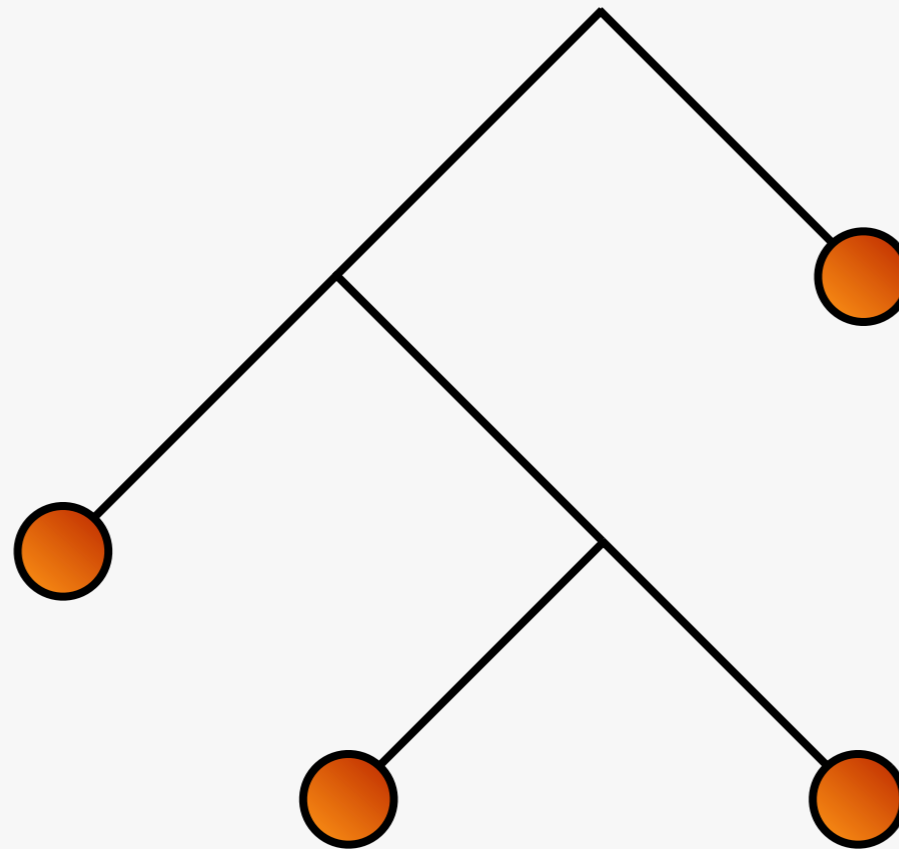
---

# Binärbäume

# erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

```
size :: BTree a -> Int
size (Leaf x) = 1
size (Fork xt yt) = size xt + size yt
```



# Binärbäume

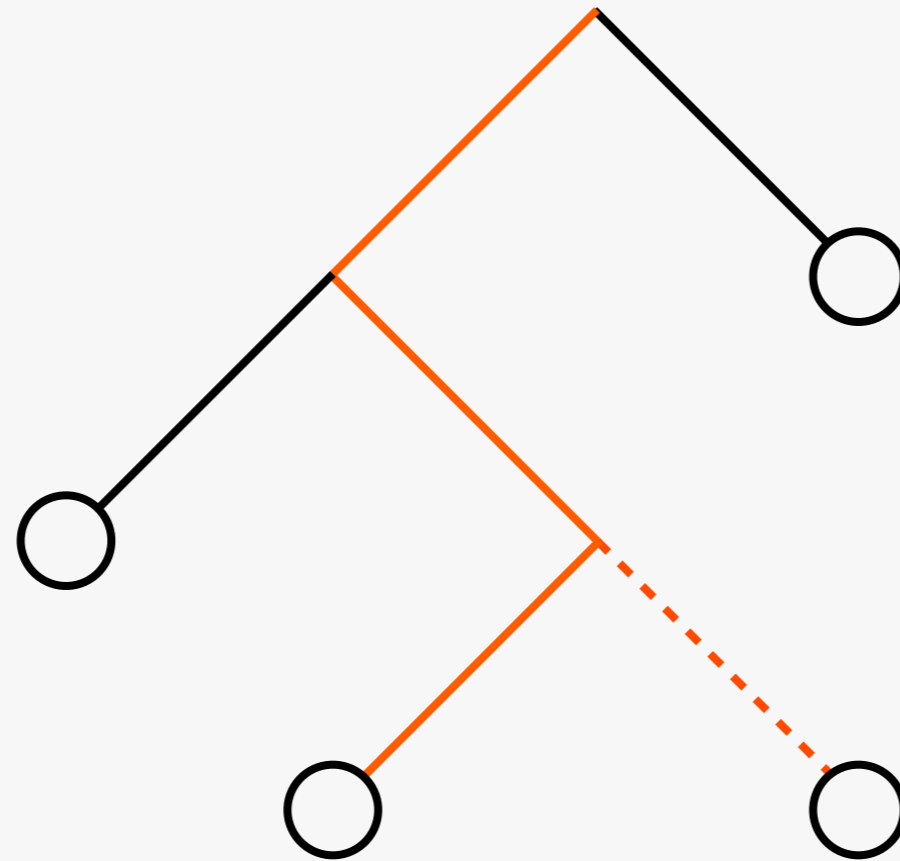
# erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

```
height :: BTree a -> Int
```

```
height (Leaf x) = 0
```

```
height (Fork xt yt) = 1 + (max (height xt) (height yt))
```



# Binärbäume

# erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

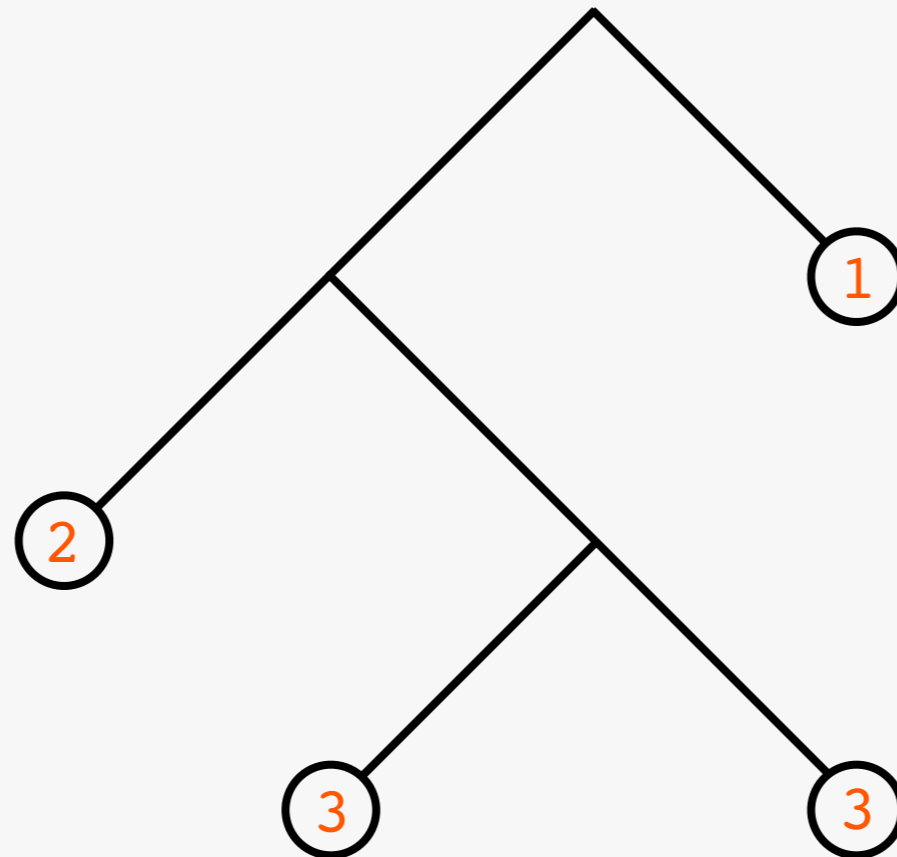
`depths :: BTree a -> BTree Int`

`depths = down 0`

`down :: Int -> BTree a -> BTree Int`

`down n (Leaf x) = Leaf n`

`down n (Fork xt yt) = Fork (down (n+1) xt) (down (n+1) yt)`





# Binärbäume

# erweiterte Binärbäume

Einführung

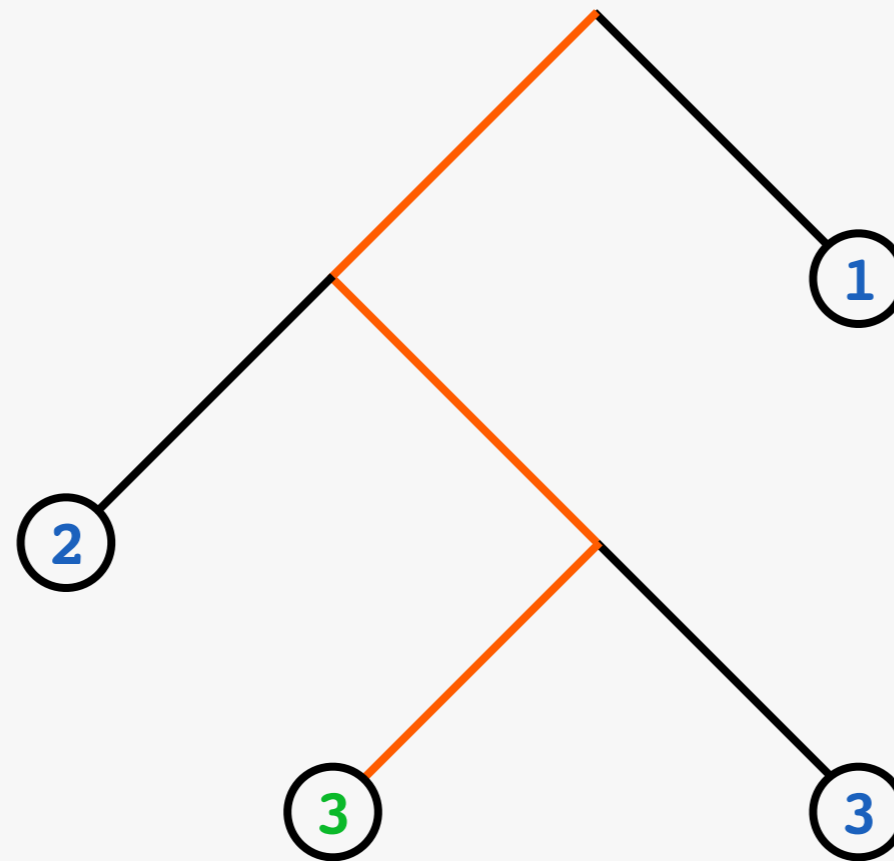
Grundfunktionen

Konvertierung

map

fold

```
maxBTree :: (Ord a) => BTree a -> a
maxBTree (Leaf x) = x
maxBTree (Fork xt yt) = (maxBTree xt) `max` (maxBTree yt)
```



# Binärbäume

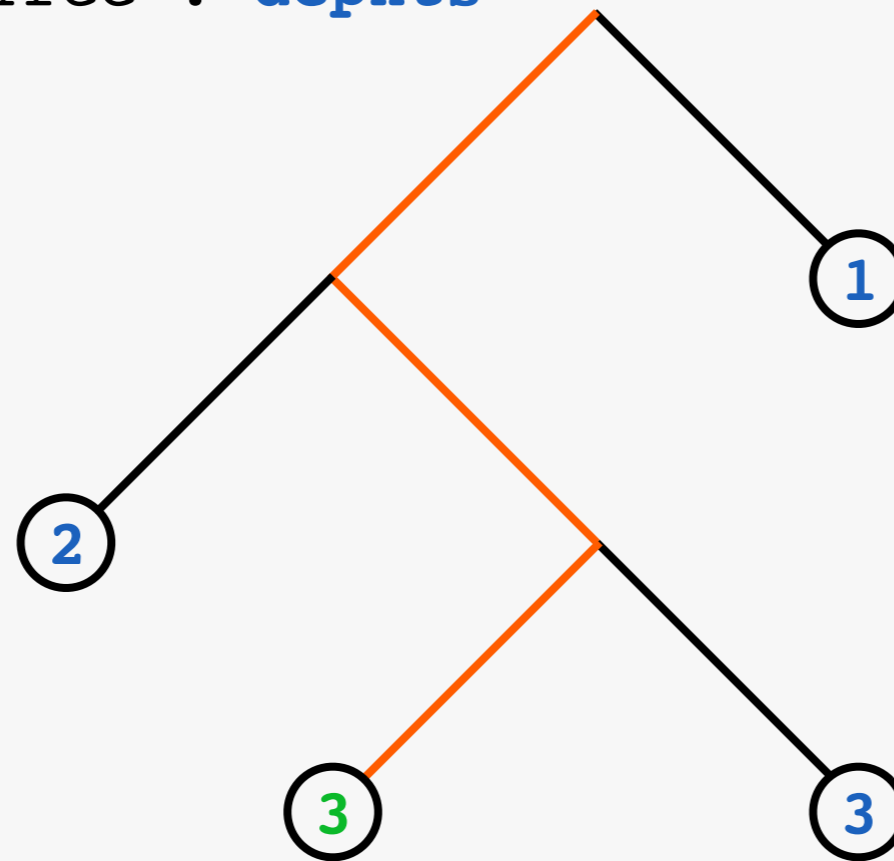
# erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

```
maxBTree :: (Ord a) => BTree a -> a
maxBTree (Leaf x) = x
maxBTree (Fork xt yt) = (maxBTree xt) `max` (maxBTree yt)
```



height = maxBTree . **depths**



# Binärbäume

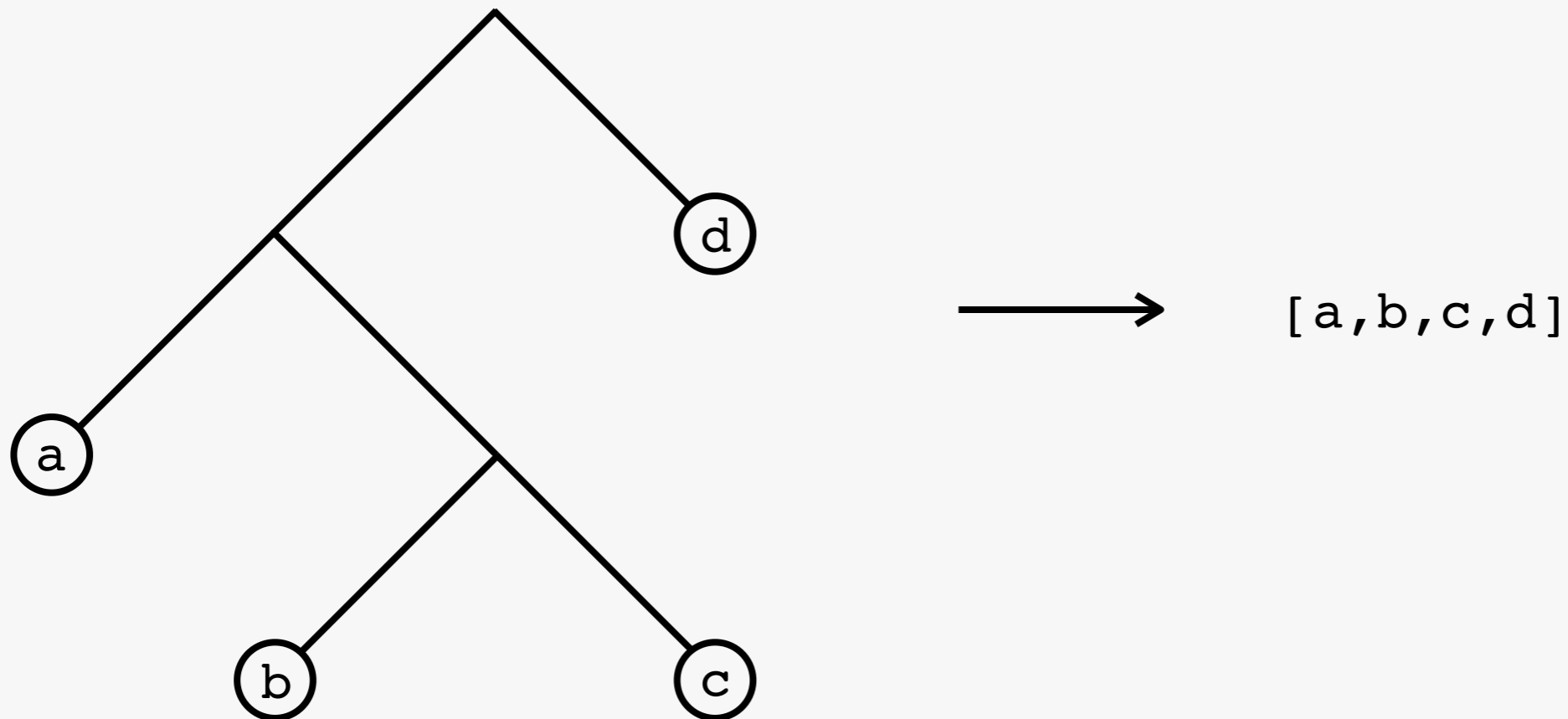
# erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

`flatten :: BTree a -> [a]`

`flatten (Leaf x) = [x]`

`flatten (Fork xt yt) = flatten xt ++ flatten yt`



# Binärbäume

# erweiterte Binärbäume

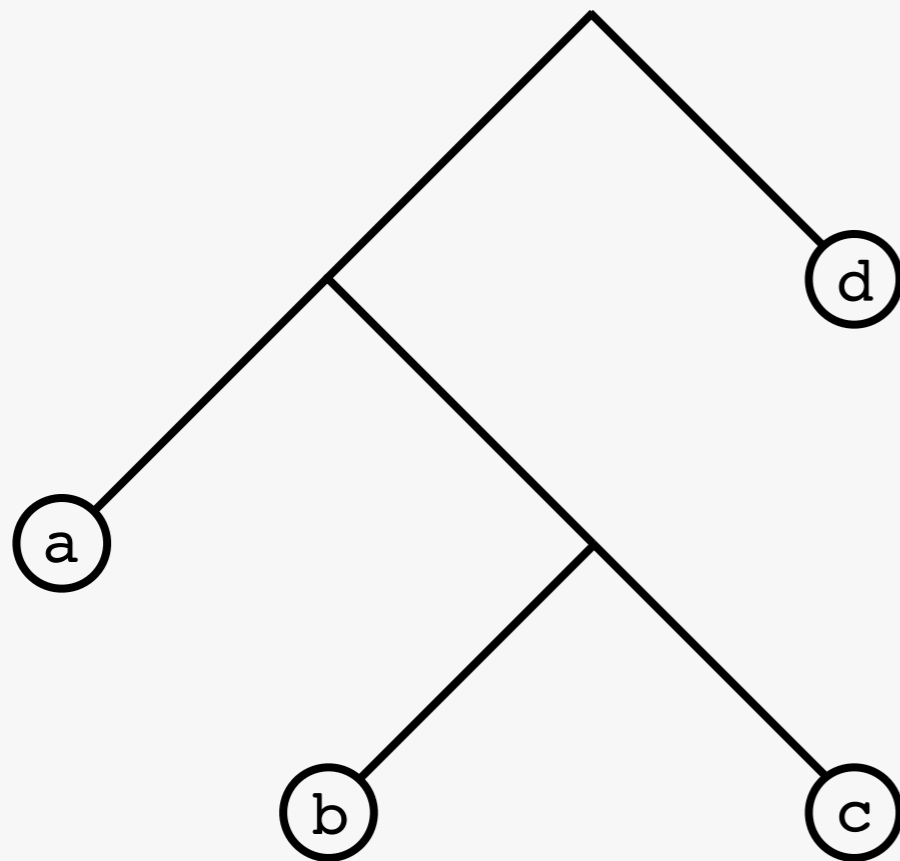
Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

`flatten :: BTree a -> [a]`

`flatten (Leaf x) = [x]`

`flatten (Fork xt yt) = flatten xt ++ flatten yt`

💡 `size = length . flatten`



`[a,b,c,d]`

# Binärbäume erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

---

## Zusammenhänge:

generell:  $\log_2 (\text{size } xt) \leq \text{height } xt < \text{size } xt$

hier:  $\log_2 (\text{length } xs) - \text{height } xt$  minimal

---

```
mkBTree :: [a] -> BTree a
```

```
mkBTree xs
```

```
  | (m == 0) = Leaf (unwrap xs)
```

```
  | otherwise = Fork (mkBTree ys) (mkBTree zs)
```

```
  where
```

```
    m = (length xs) `div` 2
```

```
    (ys, zs) = splitAt m xs
```

```
    unwrap [x] = x
```

```
-- mkBTree . flatten xt      (xt in Baum mit minimaler Höhe konvertieren)
```

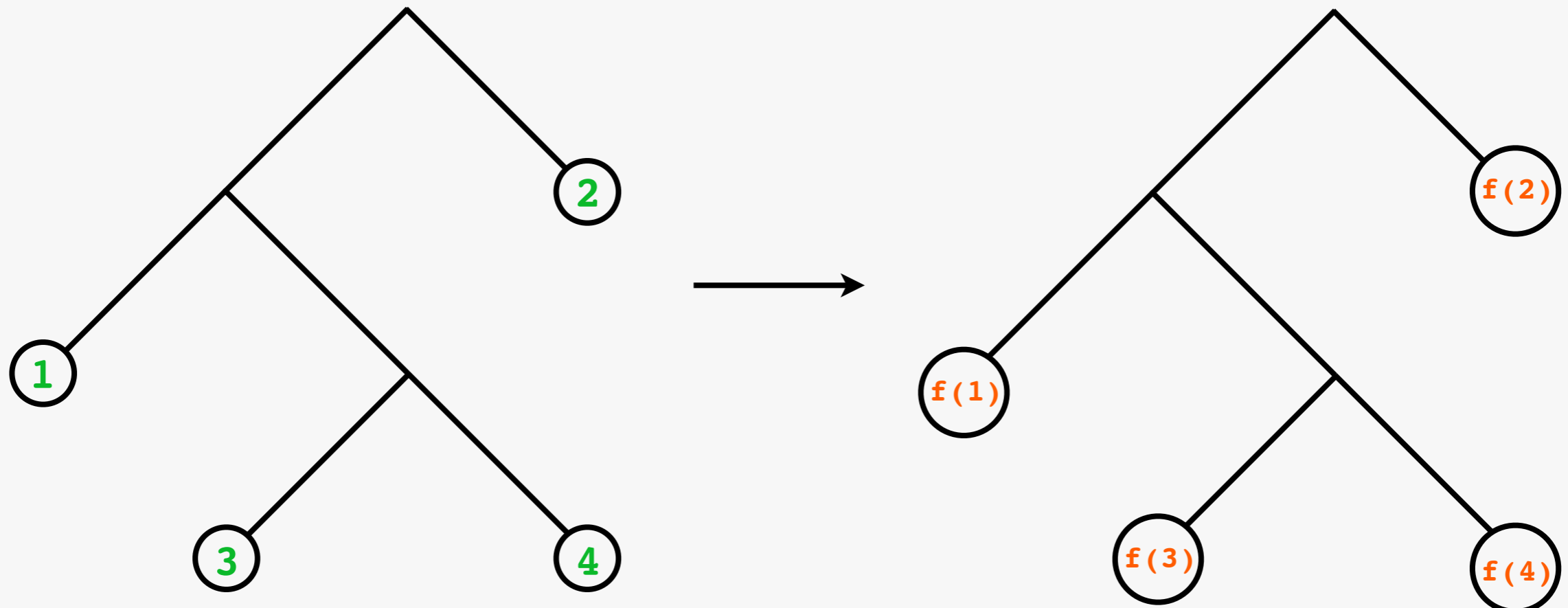
---

# Binärbäume

# erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

```
mapBTree :: (a -> b) -> BTree a -> BTree b
mapBTree f (Leaf x) = Leaf (f x)
mapBTree f (Fork xt yt) = Fork (mapBTree f xt) (mapBTree f yt)
```



# Binärbäume

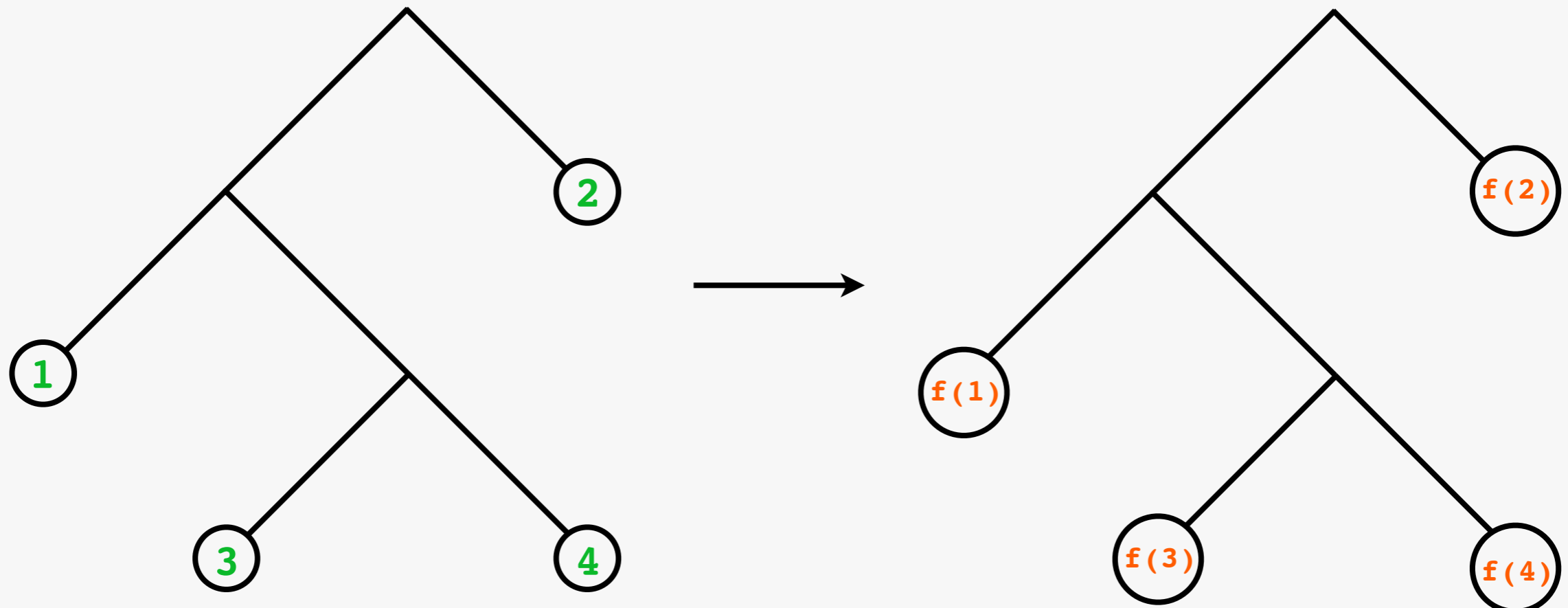
# erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung **map** fold

```
mapBTree :: (a -> b) -> BTree a -> BTree b
mapBTree f (Leaf x) = Leaf (f x)
mapBTree f (Fork xt yt) = Fork (mapBTree f xt) (mapBTree f yt)
```

```
mapBTree id = id;
mapBTree (f . g) = mapBTree f . mapBTree g
```

```
map f . flatten = flatten . mapBTree f
```



# Binärbäume

# erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

---

```
Leaf :: a -> BTree a
```

```
Fork :: BTree a -> BTree a -> BTree a
```

```
f    :: a -> b
```

```
g    :: b -> b -> b
```

---

foldBtree muss beide Konstruktoren behandeln, daher benötigen wir zwei Funktionen



# Binärbäume

# erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

---

```
foldBTree :: (a -> b) -> (b -> b -> b) -> BTree a -> b
```

```
foldBTree f g (Leaf x) = f x
```

```
foldBTree f g (Fork xt yt) = g (foldBTree f g xt) (foldBTree f g yt)
```

---

# Binärbäume

# erweiterte Binärbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung map fold

```
foldBTree :: (a -> b) -> (b -> b -> b) -> BTree a -> b
```

```
foldBTree f g (Leaf x) = f x
```

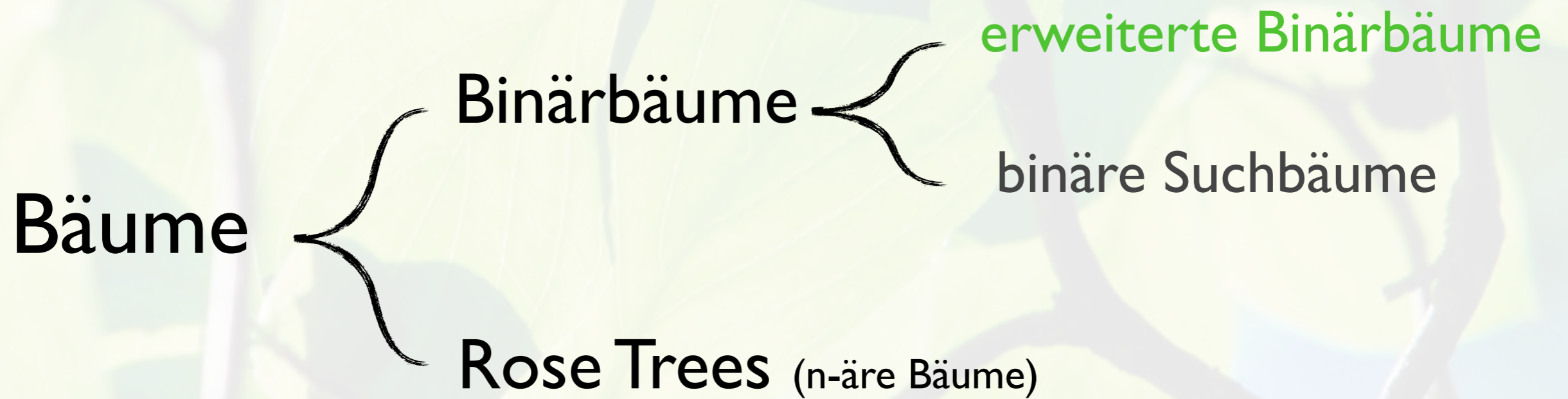
```
foldBTree f g (Fork xt yt) = g (foldBTree f g xt) (foldBTree f g yt)
```



```
size = foldBTree (const 1) (+)
```

```
height = foldBTree (const 0) func
```

```
where func xt yt = 1 + (max xt yt)
```



# erweiterte Binärbäume

# binäre Suchbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung indexierter Zugriff

---

Speichern zusätzlich Information in den **inneren Knoten**.

Vorteil: Damit ist es möglich effizientere Algorithmen zu entwickeln

---

```
data ATree a = Leaf a
             | Fork Int (ATree a) (ATree a)
```

---

# erweiterte Binärbäume

# binäre Suchbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung indexierter Zugriff

Idee: Innerer Knoten speichert **Gesamtgröße des linken Teilbaumes**

Vorraussetzung: Angegebene Gesamtgröße muss stimmen

Lösung: Erzeugen von Fork-Nodes durch Funktion **fork**

```
fork :: ATree a -> ATree a -> ATree a
```

```
fork xt yt = Fork (lsize xt) xt yt
```

```
lsize :: ATree a -> Int
```

```
lsize (Leaf x) = 1
```

```
lsize (Fork n xt yt) = n + lsize yt
```

# erweiterte Binärbäume

# binäre Suchbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung indexierter Zugriff

Statt Konstruktor Fork wird jetzt Funktion **fork** zum Erzeugen des erweiterten Binärbaums genutzt.

```
mkATree :: [a] -> ATree a
mkATree xs
  | (m==0)      = Leaf (unwrap xs)
  | otherwise = fork (mkATree ys) (mkATree zs)
  where m       = (length xs) `div` 2
        (ys, zs) = splitAt m xs
        unwrap [xs] = xs
```

# erweiterte Binärbäume

# binäre Suchbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung indexierter Zugriff

Ähnlich zum indexierten Zugriff auf Listen mit !! Operator soll nun auch auf die Blätter eines erweiterten Binärbaums zugegriffen werden.

Daraus ergibt sich folgende Spezifikation:

```
retrieve      :: ATree a -> Int -> a
retrieve xt k = (flatten xt) !! k
```

# erweiterte Binärbäume

# binäre Suchbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung indexierter Zugriff

Unter Ausnutzung der Eigenschaft (1) lässt sich ein effizienter Algorithmus zum indexierten Zugriff auf Bäume realisieren (2).

$(k - m)$  im else-Zweig, da sich die  $m$  Knoten im linken Teilbaum befinden.

```
(1) (xs ++ ys) !! k = if k < m then xs !! k else ys !! (k - m)
      where m = length xs
```

```
(2) retrieve :: ATree a -> Int -> a
    retrieve (Leaf x) 0 = x
    retrieve (Fork m xt yt) k =
      if k < m then retrieve xt k else retrieve yt (k - m)
```



# erweiterte Binärbäume

# binäre Suchbäume

Einführung Grundfunktionen Konvertierung indexierter Zugriff

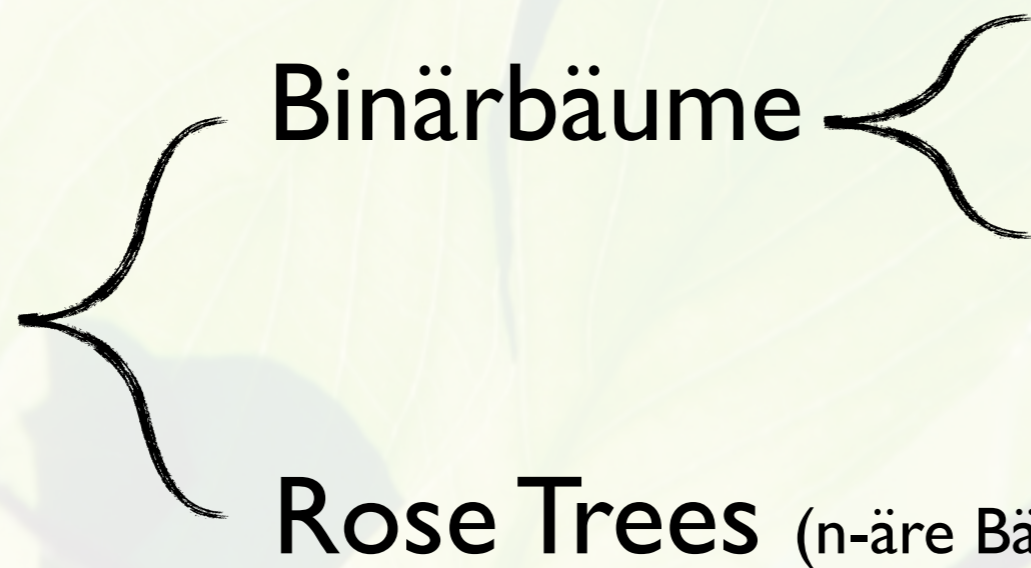
Unter Ausnutzung der Eigenschaft (1) lässt sich ein effizienter Algorithmus zum indexierten Zugriff auf Bäume realisieren (2).

  $(k - m)$  im else-Zweig, da sich die  $m$  Knoten im linken Teilbaum befinden.

```
(1) (xs ++ ys) !! k = if k < m then xs !! k else ys !! (k - m)
      where m = length xs
```

```
(2) retrieve :: ATree a -> Int -> a
    retrieve (Leaf x) 0 = x
    retrieve (Fork m xt yt) k =
      if k < m then retrieve xt k else retrieve yt (k - m)
```

**Bäume**



**Binärbäume**

erweiterte Binärbäume

binäre Suchbäume

**Rose Trees** (n-äre Bäume)

# binäre Suchbäume

# rose trees

Einführung   fatten   member   Konvertierung   Einfügen & Löschen

---

Auch „labelled binary trees“ genannt.

Eignet sich für effiziente Suche.

Blätter sind **leer**, **Informationen** stecken in den Knoten.

---

```
data (Ord a) => STree a = Null
                    | Fork (STree a) a (STree a)
```

---

# binäre Suchbäume

# rose trees

Einführung **flatten** member Konvertierung Einfügen & Löschen

Eigenschaft eines binären Suchbaums:

flatten liefert eine Liste, deren Elemente aufsteigend sortiert sind.

Es gilt:  $x_t < x < y_t$ .

```
flatten          :: STree a -> [a]
flatten Null    = []
flatten (Fork xt x yt) = flatten xt ++ [x] ++ flatten yt
```

# binäre Suchbäume

# rose trees

Einführung    **fatten**    member    Konvertierung    Einfügen & Löschen

---

```
member :: a -> STree a -> Bool
member x Null = False
member x (Fork xt y yt)
  | (x < y)   = member x xt
  | (x == y)  = True
  | (x > y)   = member x yt
```

---

Im schlechtesten Fall ist die Laufzeit proportional zur Höhe des Baumes.

Beziehung zwischen Höhe und Größe:

$$\text{height } xt \leq \text{size } xt < 2^{\text{height } xt}$$

# binäre Suchbäume

# rose trees

Einführung    `fatten`    `member`    Konvertierung    Einfügen & Löschen

---

```
mkSTree      :: (Ord a) => [a] -> STree a
```

```
mkSTree []   = Null
```

```
mkSTree (x:xs) = Fork (mkSTree yt) x (mkSTree zt)
```

```
      where (yt,zt) = partition (<= x) xs
```

```
partition    :: (Ord a) => (a -> Bool) -> [a] -> ([a],[a])
```

```
partition p xs = (filter p xs, filter (not . p) xs)
```

---

Mit dieser Implementierung ist nicht sichergestellt, dass Suchbaum minimale Höhe hat.

Im schlechtesten Fall gilt:

`size xt = height xt`

# binäre Suchbäume

# rose trees

Einführung   flatten   member   Konvertierung   Einfügen & Löschen

---

```
mkSTree      :: (Ord a) => [a] -> STree a
```

```
mkSTree []   = Null
```

```
mkSTree (x:xs) = Fork (mkSTree yt) x (mkSTree zt)
                  where (yt,zt) = partition (<= x) xs
```

```
partition    :: (Ord a) => (a -> Bool) -> [a] -> ([a],[a])
```

```
partition p xs = (filter p xs, filter (not . p) xs)
```



```
sort :: (Ord a) => [a] -> [a]
```

```
sort = flatten . mkSTree
```

---

Mit dieser Implementierung ist nicht sichergestellt, dass Suchbaum minimale Höhe hat.

Im schlechtesten Fall gilt:

```
size xt = height xt
```

# binäre Suchbäume

# rose trees

Einführung    **fatten**    member    Konvertierung    Einfügen & Löschen

---

```
insert                :: (Ord a) => a -> STree a -> STree a
insert x Null         = Fork Null x Null
insert x (Fork xt y yt)
  | (x < y)  = Fork (insert x xt) y yt
  | (x == y) = Fork xt x yt
  | (x > y)  = Fork xt y (insert x yt)
```

---

Werte, die bereits im Baum gespeichert sind werden ersetzt.



# binäre Suchbäume

# rose trees

Einführung    fatten    member    Konvertierung    Einfügen & Löschen

---

Idee: Beim Löschen entstehen zwei Subtrees. Diese müssen zusammengefügt werden. Der rechte Subtree wird beim linken Subtree an den rechtesten leeren Ast gehängt.

---

```
delete          :: (Ord a) => a -> STree a -> STree a
delete x Null   = Null
delete x (Fork xt y yt)
  | (x < y)     = Fork (delete x xt) y yt
  | (x == y)    = join xt yt
  | (x > y)     = Fork xt y (delete x yt)

join            :: (Ord a) => STree a -> STree a -> STree a
join Null yt   = yt
join (Fork ut x vt) yt = Fork ut x (join vt yt)
```

---

# binäre Suchbäume

# rose trees

Einführung   fatten   member   Konvertierung   Einfügen & Löschen



**Problem:** Es können Bäume entstehen, die höher sind, als nötig.  
Dies führt zu einer ineffektiven Suche.

```
delete                :: (Ord a) => a -> STree a -> STree a
delete x Null         = Null
delete x (Fork xt y yt)
  | (x < y)  = Fork (delete x xt) y yt
  | (x == y) = join xt yt
  | (x > y)  = Fork xt y (delete x yt)

join                  :: (Ord a) => STree a -> STree a -> STree a
join Null yt         = yt
join (Fork ut x vt) yt = Fork ut x (join vt yt)
```

# binäre Suchbäume

# rose trees

Einführung   fatten   member   Konvertierung   Einfügen & Löschen



## Verbesserte Version von Join

**Lösung:** Suche im rechten Subtree das Element, welches am weitesten links ist und nutze dies als "Verbindungsknoten"

```
join      :: (Ord a) => STree a -> STree a -> STree a
join xt yt =
    if empty yt then xt else Fork xt ((fst.splitT) yt) ((snd.splitT) yt)

empty      :: (Ord a) -> STree a -> Bool
empty Null = True
empty (Fork xt x yt) = False

splitT      :: (Ord a) => STree a -> (a, STree a)
splitT (Fork xt y yt) =
    if empty xt then (y,yt) else (x, Fork wt y yt)
    where (x,wt) = splitT xt
```

**Bäume**



**Binärbäume**

erweiterte Binärbäume

binäre Suchbäume

**Rose Trees** (n-äre Bäume)

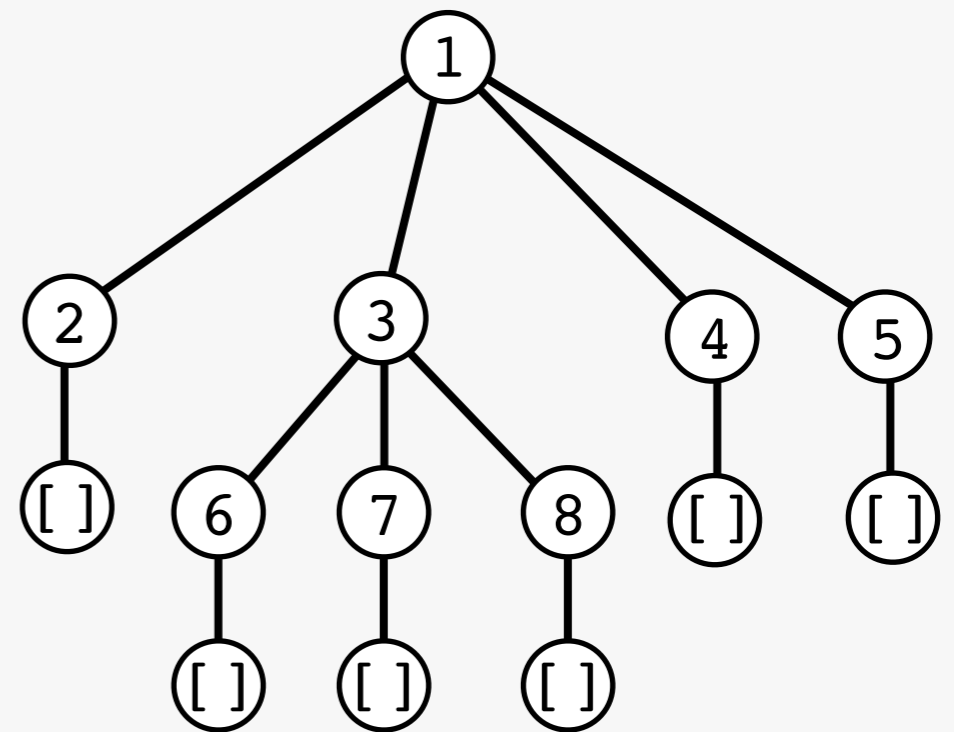
# rose trees

Einführung Grundfunktionen fold map flatten

Besteht aus **Labelled Nodes** und einer **Liste weiterer Subtrees**.

Externe Knoten haben keine Subtrees. Interne Knoten haben mindestens einen Subtree

```
data RTree a = Node a [RTree a]
```



# rose trees

Einführung Grundfunktionen fold map flatten

---

Endliche Bäume: Jeder Knoten hat eine endliche Anzahl von Subknoten.



Endliche Bäume können unendliche Größe (Tiefe) haben

---

```
roseFinite :: RTree Int
```

```
roseFinite = Node 0 [roseFinite]
```

```
roseInfinite :: RTree Int
```

```
roseInfinite = Node 0 [Node n [] | n <- [1..]]
```

---

# rose trees

Einführung Grundfunktionen fold map flatten

---



Ein Baum hat die Breite  $w$ , wenn alle Knoten des Baums nicht mehr als  $w$  unmittelbare Subtrees haben.

Alle endlichen Bäume haben eine endliche Breite.

---

```
size      :: RTree a -> Int
size (Node x xts) = 1 + sum (map size xts)

height    :: RTree a -> Int
height (Node x xts) = 1 + maxlist (map height xts)
                    where maxlist = foldl (max) 0
```

---

# rose trees

Einführung Grundfunktionen fold map flatten

---

```
depths :: RTree a -> RTree Int
```

```
depths = down 1
```

```
down :: Int -> RTree a -> RTree Int
```

```
down n (Node x xts) = Node n (map (down (n+1)) xts)
```

```
maxRose :: (Ord a, Num a) => RTree a -> a
```

```
maxRose (Node x xts) = x `max` maxlist (map maxRose xts)
```

```
where maxlist = foldl (max) 0
```

---



# rose trees

Einführung Grundfunktionen fold map flatten

---

Im Gegensatz zu BTree existiert in RTree nur ein Konstruktor, daher wird nur eine Ersatz-Funktion benötigt

---

```
Node :: a -> [RTree a] -> RTree a
f     :: a -> [b] -> b
```

```
foldRose :: (a -> [b] -> b) -> RTree a -> b
foldRose f (Node x xts) = f x (map (foldRose f) xts)
```

---

# rose trees

Einführung Grundfunktionen **fold** map flatten

---

Jetzt können wir size und maxRose über foldRose realisieren

---

```
size :: RTree a -> Int
```

```
size = foldRose f
```

```
  where f x ns = 1 + sum ns
```

```
maxRose :: (Ord a) => RTree a -> a
```

```
maxRose = foldRose f
```

```
  where f x ns = x `max` maxlist ns
```

```
        maxlist = foldl (max) 0
```

---

# rose trees

Einführung Grundfunktionen fold map flatten

---

... ebenso kann jetzt *map* für RoseTrees über *foldRose* realisiert werden

---

```
mapRose :: (a -> b) -> RTree a -> RTree b
```

```
mapRose f = foldRose (Node . f)
```

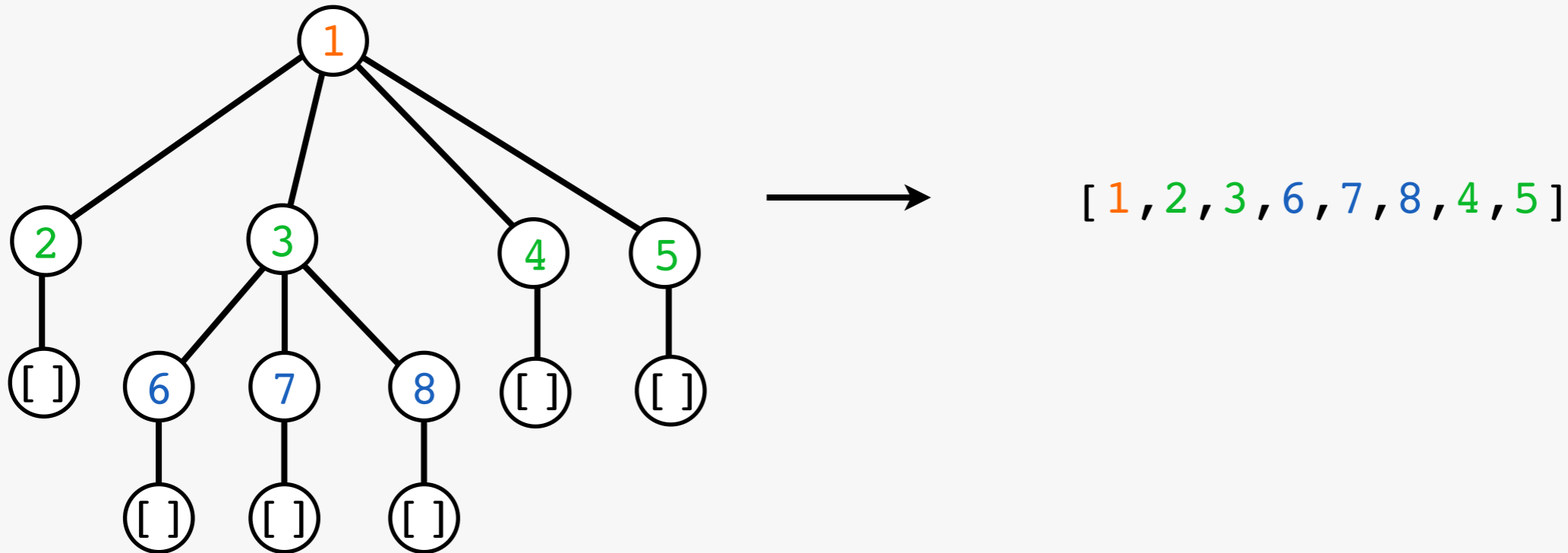
---

# rose trees

Einführung Grundfunktionen fold map flatten

`flatten :: RTree a -> [a]`

`flatten (Node x xts) = x : concat (map flatten xts)`



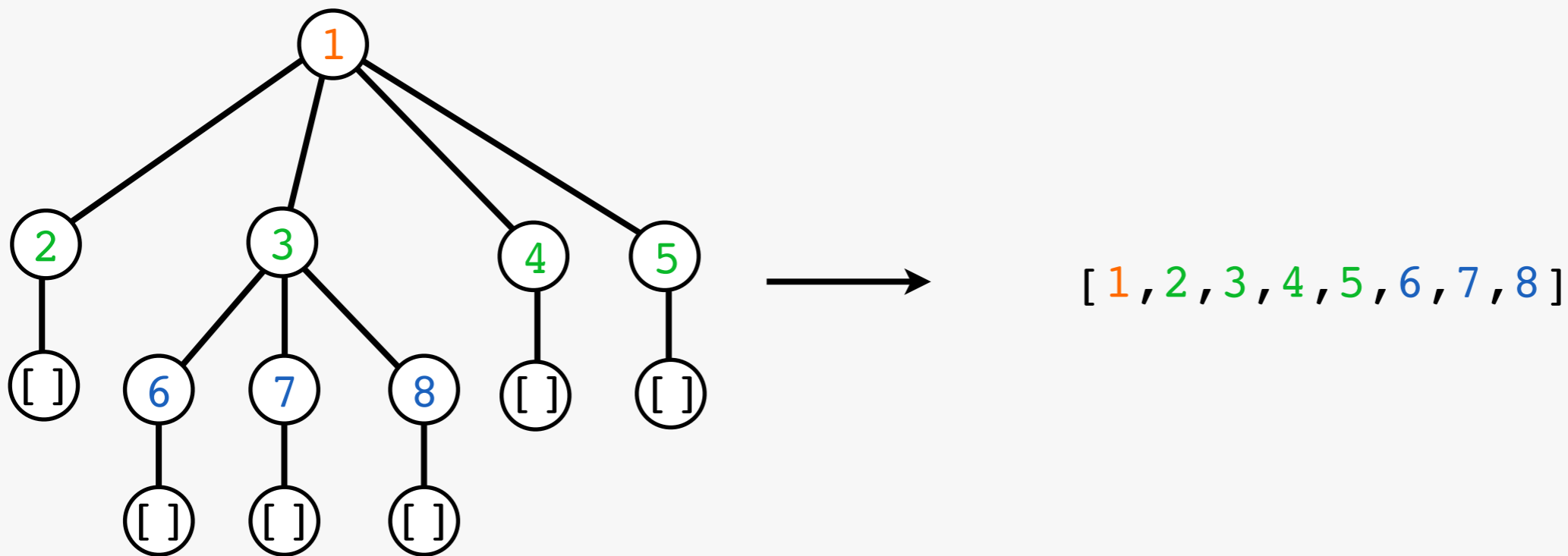
**Problem:** Depth-first order.

Problem ähnlich KI der Tiefensuche. Ist beispielsweise jeweils der linke äußere Subtree unendlich tief, so gibt der Algorithmus nur den Pfad entlang des Gabelung links außen aus.

# rose trees

Einführung Grundfunktionen fold map flatten

Lösung: Breadth-first order.  
Baum wird Level für Level abgearbeitet



# rose trees

Einführung Grundfunktionen fold map flatten

---

```
level :: RTree a -> [a]
```

```
level = concat . levels
```

```
levels :: RTree a -> [[a]]
```

```
levels (Node x xts) = [x] : combine (map levels xts)
```

```
combine :: [[[a]]] -> [[a]]
```

```
combine = foldr (##) []
```

```
(##) :: [[a]] -> [[a]] -> [[a]]
```

```
[] ## yss = yss
```

```
(xs:xss) ## [] = xs:xss
```

```
(xs:xss) ## (ys:yss) = (xs ++ ys) : (xss ## yss)
```

---

# rose trees

Einführung Grundfunktionen fold map flatten

---


```
roseFinite :: RTree Int
roseFinite = Node 0 [roseFinite, RTree 1]

> elem 1 (flatten roseFinite)
> elem 1 (level roseFinite)
```

---

Der erste Funktionsaufruf würde unendlich tief in den linken Sub-Tree absteigen, während der zweite Funktionsaufruf unmittelbar auf der 2. Ebene das gesuchte Element findet



thanks grazie شكراً danke 謝謝 tak  ευχαριστώ merci

Alexander Meirowski & Patrick Schmidt

Bei: Prof. Dr. Schmidt, FH Wedel  
Freitag, 26. November 2010